20152410 배형준 Data Mining HW1

**Contents**

[load dataset and split train and test 2](#_Toc38786029)

[(a) Polynomial regression 4](#_Toc38786030)

[(1) validation set 4](#_Toc38786031)

[(2) LOOCV 6](#_Toc38786032)

[(3) 10 fold cv 8](#_Toc38786033)

[(4) Conclusion 10](#_Toc38786034)

[English version 10](#_Toc38786035)

[한국어 버전 11](#_Toc38786036)

[(b) KNN regression 12](#_Toc38786037)

[(1) validation set 12](#_Toc38786038)

[(2) LOOCV 14](#_Toc38786039)

[(3) 10 fold cv 16](#_Toc38786040)

[(4) Conclusion 18](#_Toc38786041)

[English version 18](#_Toc38786042)

[한국어 버전 19](#_Toc38786043)

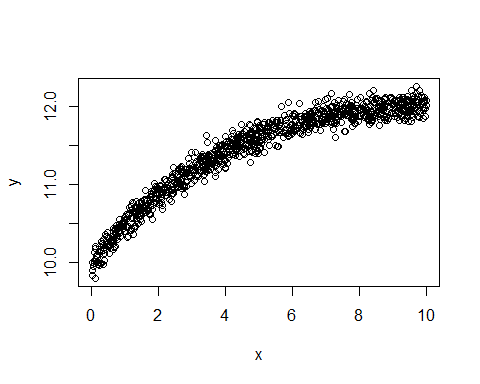
Use the attached “data2.txt”. Use set.seed(1) to make a test set of 300 observations from the data. Use the remaining 700 observations and apply (1) validation set, (2) LOOCV, and (3) 10-fold cross validation approaches setting the seed with your university ID to answer the following subproblems:

### load dataset and split train and test

student = 20152410  
dataset = read.csv('./data2.txt', header=TRUE, sep=' ')  
head(dataset)

## y x  
## 1 11.06616 2.655087  
## 2 11.33982 3.721239  
## 3 11.60248 5.728534  
## 4 11.93088 9.082078  
## 5 10.88337 2.016819  
## 6 12.02761 8.983897

# reorder variables  
data = data.frame(x = dataset[, 2], y = dataset[, 1])  
  
# 데이터의 분포 시각적으로 확인  
plot(data[, 1], data[, 2], xlab='x', ylab='y')



# split trainset and testset  
set.seed(1)  
n = dim(data)[1]  
train\_size = 0.7  
train\_index = sample(1:n, n\*train\_size, replace=FALSE)  
trainset = data[train\_index, ]  
testset = data[-train\_index, ]  
  
# for fitted curve in graph  
x = seq(0, 10, 0.001)  
x\_linspace= data.frame(x = x)

# (a) Polynomial regression

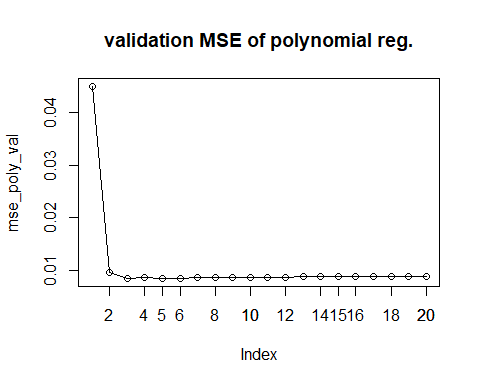
Determine the best polynomial regression model to predict y by x. Draw a scatter plot with the fitted curve. Report the test MSE of your final model using the test set.

### (1) validation set

# make validation set  
set.seed(student)  
m = dim(trainset)[1]  
val\_size = 0.3  
val\_index = sample(1:m, m\*val\_size, replace=FALSE)  
train = trainset[-val\_index, ]  
val = trainset[val\_index, ]  
  
mse\_poly\_val = c()

# model learning  
for (i in 1:20) {  
 model\_poly = lm(y ~ poly(x, i), data=train)  
 predict\_value = predict(model\_poly, newdata = val)  
 mse = mean((val[, 'y'] - predict\_value)^2)  
  
 mse\_poly\_val[i] = mse  
}

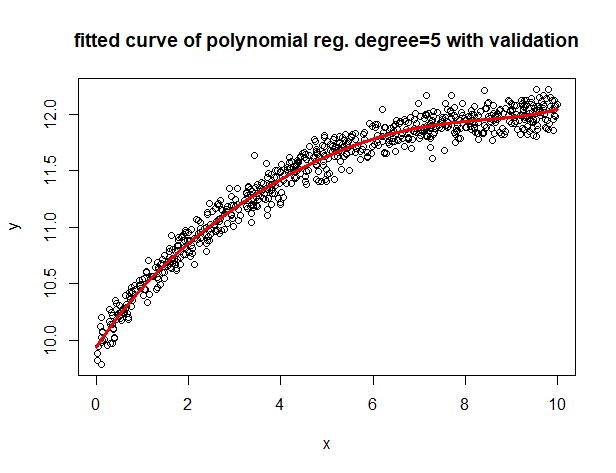
# 차수가 2부터 validation mse가 급격하게 감소하는 것을 확인할 수 있다.  
plot(mse\_poly\_val, type='o', xlim=c(1, 20), main='validation MSE of polynomial reg.')  
axis(side=1, at=seq(0, 20, 2))



# calculate test mse  
degree = which.min(mse\_poly\_val)  
model\_poly = lm(y ~ poly(x, degree), data=trainset)  
predict\_value = predict(model\_poly, newdata=testset)  
test\_mse\_poly\_val = mean((testset[, 'y'] - predict\_value)^2)  
cat('validation method를 이용해 구한 polynomial regression의 차수는',  
 degree, '이고 test MSE는', test\_mse\_poly\_val, '이다.')

## validation method를 이용해 구한 polynomial regression의 차수는 5 이고 test MSE는 0.01142621 이다.

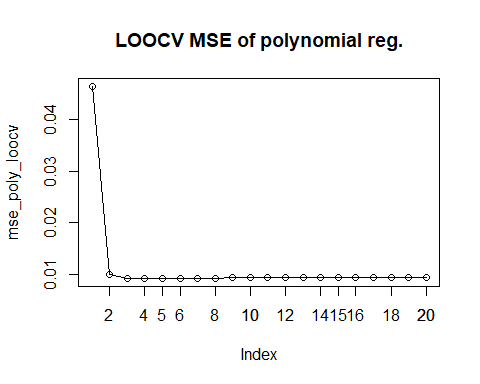
# fitted curve  
plot(trainset[, 'x'], trainset[, 'y'], xlab='x', ylab='y',  
 main='fitted curve of polynomial reg. degree=5 with validation')  
points(x, predict(model\_poly, newdata=x\_linspace), col='red', type='l', lwd=3)



### (2) LOOCV

mse\_poly\_loocv = c()  
  
# model learning  
for (i in 1:20) {  
 mse\_loocv = 0  
   
 for (j in 1:m) {  
 temp\_train = trainset[-j, ]  
 temp\_val = trainset[j, ]  
 model\_poly = lm(y ~ poly(x, i), data=temp\_train)  
 predict\_value = predict(model\_poly, newdata=temp\_val)  
 mse = (temp\_val[, 'y'] - predict\_value)^2  
   
 mse\_loocv = mse\_loocv + mse  
 }  
 mse\_poly\_loocv[i] = mse\_loocv / m  
}

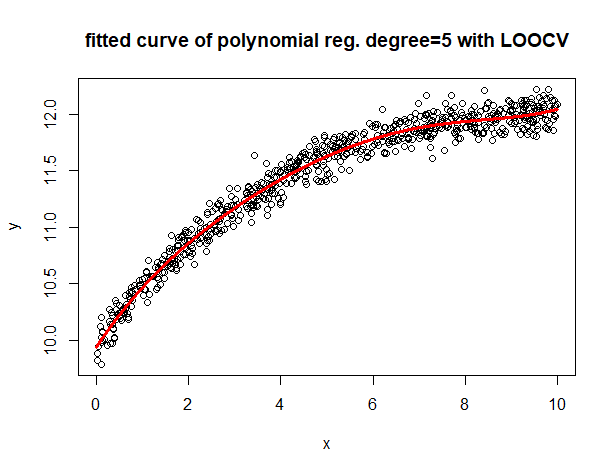
# 차수가 2부터 validation mse가 급격하게 감소하는 것을 확인할 수 있다.  
plot(mse\_poly\_loocv, type='o', xlim=c(1, 20), main='LOOCV MSE of polynomial reg.')  
axis(side=1, at=seq(0, 20, 2))



# calculate test mse  
degree = which.min(mse\_poly\_loocv)  
model\_poly = lm(y ~ poly(x, degree), data=trainset)  
predict\_value = predict(model\_poly, newdata=testset)  
test\_mse\_poly\_loocv = mean((testset[, 'y'] - predict\_value)^2)  
cat('LOOCV method를 이용해 구한 polynomial regression의 차수는',  
 degree, '이고 test MSE는', test\_mse\_poly\_loocv, '이다.')

## LOOCV method를 이용해 구한 polynomial regression의 차수는 5 이고 test MSE는 0.01142621 이다.

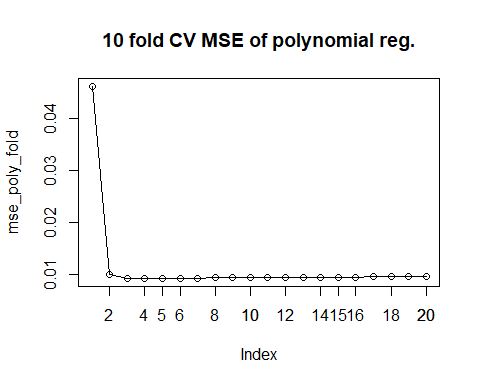
# fitted curve  
plot(trainset[, 'x'], trainset[, 'y'], xlab='x', ylab='y',  
 main='fitted curve of polynomial reg. degree=5 with LOOCV')  
points(x, predict(model\_poly, newdata=x\_linspace), col='red', type='l', lwd=3)



### (3) 10 fold cv

set.seed(student)  
fold = 10  
fold\_index = sample(1:fold, m, replace=TRUE)  
  
mse\_poly\_fold = c()  
  
# model learning  
for (i in 1:20) {  
 mse\_fold = 0  
   
 for (j in 1:fold) {  
 temp\_train = trainset[fold\_index!=j, ]  
 temp\_val = trainset[fold\_index==j, ]  
 model\_poly = lm(y ~ poly(x, i), data=temp\_train)  
 predict\_value = predict(model\_poly, newdata=temp\_val)  
 mse = mean((temp\_val[, 'y'] - predict\_value)^2)  
   
 mse\_fold = mse\_fold + mse  
 }  
 mse\_poly\_fold[i] = mse\_fold / fold  
}

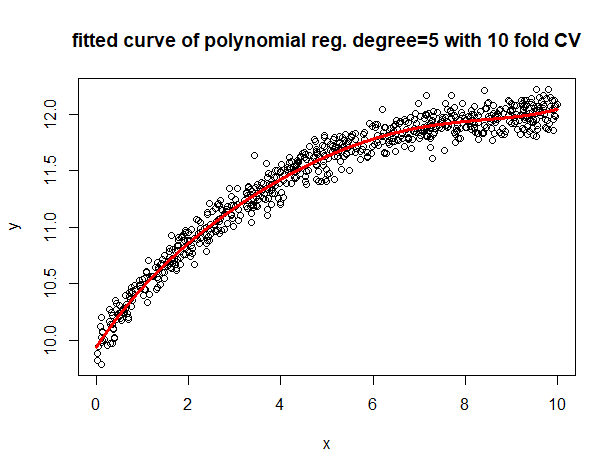
# 차수가 2부터 validation mse가 급격하게 감소하는 것을 확인할 수 있다.  
plot(mse\_poly\_fold, type='o', xlim=c(1, 20), main='10 fold CV MSE of polynomial reg.')  
axis(side=1, at=seq(0, 20, 2))



# calculate test mse  
degree = which.min(mse\_poly\_fold)  
model\_poly = lm(y ~ poly(x, degree), data=trainset)  
predict\_value = predict(model\_poly, newdata=testset)  
test\_mse\_poly\_10foldcv = mean((testset[, 'y'] - predict\_value)^2)  
cat('10 fold CV method를 이용해 구한 polynomial regression의 차수는',  
 degree, '이고 test MSE는', test\_mse\_poly\_10foldcv, '이다.')

## 10 fold CV method를 이용해 구한 polynomial regression의 차수는 5 이고 test MSE는 0.01142621 이다.

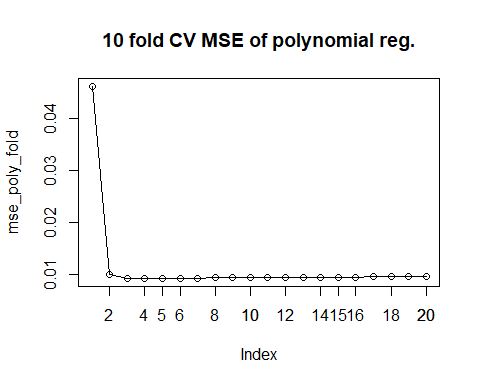
# fitted curve  
plot(trainset[, 'x'], trainset[, 'y'], xlab='x', ylab='y',  
 main='fitted curve of polynomial reg. degree=5 with 10 fold CV')  
points(x, predict(model\_poly, newdata=x\_linspace), col='red', type='l', lwd=3)



### (4) Conclusion

#### English version

Polynomial regression was learned using validation, LOOCV, 10 fold cross validation methods. I designed model learning to select an optimal hyperparameter of polynomial degree in range between 1 and 20. Optimal polynomial degree is 5 when evaluating model learning by validation MSE using three methods (validation, LOOCV, 10 fold CV). Since results are same as degree of 5, final fitted models are same. Finally, I got test MSE 0.01142621

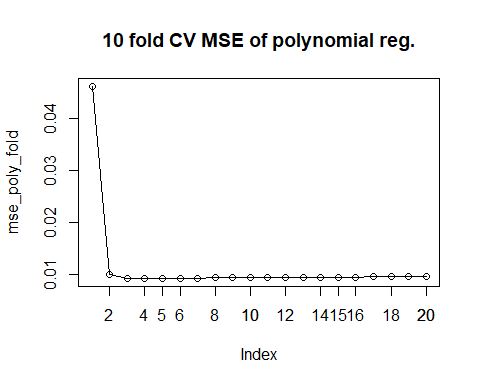


Let’s look again plot of 10 fold CV MSE of polynomial regression. In degree=1, validation MSE is largest of MSE values. It seems that bias in MSE is quite large. (MSE = Variance + Bias^2 + error) We need to use more complex, flexible model to get more powerful model for this data. In part of degree between 2 and 20, we can check that variance and bias in MSE are much smaller than that of degree 1. I didn’t check validation MSE of polynomial degree over 20. If we check MSE of degree up to 100, the higher degree, the smaller bias, the larger variance. So, it is expected that validation MSE is increasing again. It means model is overfitted train data.

In this data, we are not interested in interpretation of relationship between x and y. So, we select polynomial degree 5 to get smallest validation MSE (just to optimize performance of model). If we are interested in interpretation, it is necessary to verify whether the relationship between those variables is 5-th order polynomial or not. 1-st polynomial has larger bias. 2-nd~5-th polynomial have good performance and are not complicated model. In this case, distribution of y matched with part of x larger than 10 (actually, it does not exist) determine degree of model. If we assume y increases when x is larger than 10, we can consider 3-rd, 5-th polynomial regression. If we assume y decreases when x is larger than 10, we can do 2-nd, 4-th polynomial regression. Performance of 2-nd, 3-rd polynomial regression is not smaller than 4-th, 5-th polynomial regression. So, it is good choice to select 2-nd or 3-rd polynomial regression model considering the distribution of y.

#### 한국어 버전

Polynomial regression을 3가지 방법(validation, LOOCV, 10 fold CV) 으로 학습하였다. 모델의 hyperparameter인 polynomial degree를 1부터 20 사이에서 선정하는 것으로 학습을 설계하였다. val MSE를 기준으로 모델 학습을 평가했을 때 3개의 방법 모두 최적 degree로 5를 선정하였다. degree가 같아 최종 학습 모델이 같아져 test MSE 0.01142621를 얻었다.



위의 그래프를 보면 Degree가 1일때는 val MSE가 큰 것을 확인할 수 있는데 이는 MSE를 구성하고 있는 요소 중 bias의 값이 크기 때문이다. 설명력이 더 강한 모델을 만들기 위해서는 더 복잡한 모델을 사용할 필요가 있다. degree가 2~20인 부분에서는 MSE를 구성하고 있는 요소 중 variance와 bias 모두 degree가 1일때보다 작은 값인 것을 확인할 수 있다. 여기에선 degree가 20보다 큰 부분을 확인하지 않았는데 만약 degree의 범위를 100까지 늘려본다면 degree가 증가할수록 bias는 0에 가까워지지만 오히려 variance가 엄청나게 증가해버려 val MSE가 다시 상승할 것으로 추정해본다.

이 데이터에서는 변수 간의 관계 해석이 중요하지 않아 val MSE를 가장 작게 만드는, 성능을 최적화하는 degree=5를 사용했다. 해석이 중요한 경우에는 변수 간 관계가 실제로 5차 다항식인지를 검증할 필요가 있다. 1차 다항식은 bias가 너무 크고, 2~5차 다항식이 성능이 좋으면서 엄청나게 복잡하지는 않은 모델이다. 2~5차 다항식 중 무엇이 적절한지는 x가 10보다 더 큰 부분의 데이터를 수집하면 판단할 수 있을 것이다. x가 10보다 커질 때 y가 감소한다고 가정하면 2, 4차 다항식을 고려할 수 있고, x가 10보다 클 때 y가 증가한다고 가정하면 3, 5차 다항식을 고려할 수 있다. 2, 3차 다항식의 성능이 4, 5차 다항식의 성능에 비해 크게 부족하지 않으므로 y의 분포를 고려하여 2차 또는 3차 다항식 회귀를 선택하는 것이 좋다고 생각한다.

# (b) KNN regression

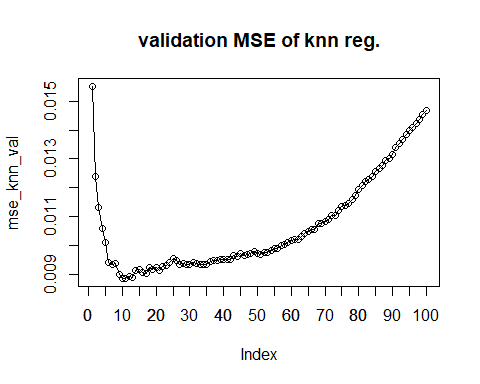
Determine the best knn regression model to predict y by x. Draw a scatter plot with the fitted curve. Report the test MSE of your final model using the test set.

library(caret)

### (1) validation set

# make validation set  
set.seed(student)  
m = dim(trainset)[1]  
val\_size = 0.3  
val\_index = sample(1:m, m\*val\_size, replace=FALSE)  
train = trainset[-val\_index, ]  
val = trainset[val\_index, ]  
  
mse\_knn\_val = c()  
  
# model learning  
for (i in 1:100) {  
 model\_knn = knnreg(y ~ x, k=i, data=train)  
 predict\_value = predict(model\_knn, newdata=val)  
 mse = mean((val[, 'y'] - predict\_value)^2)  
   
 mse\_knn\_val[i] = mse  
}

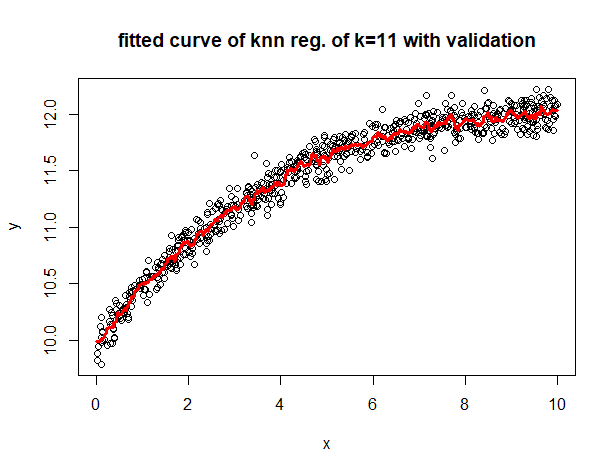
# k가 증가하면서 val mse가 감소하다가 10 근처부터 다시 증가하는 것을 확인할 수 있다.  
plot(mse\_knn\_val, type='o', xlim=c(1, 100), main='validation MSE of knn reg.')  
axis(side=1, at=seq(0, 100, 5))



# calculate test mse  
k = which.min(mse\_knn\_val)  
model\_knn = knnreg(y ~ x, k=k, data=trainset)  
predict\_value = predict(model\_knn, newdata=testset)  
test\_mse\_knn\_val = mean((testset[, 'y'] - predict\_value)^2)  
cat('validation method를 이용해 구한 k는',  
 k, '이고 test MSE는', test\_mse\_knn\_val, '이다.')

## validation method를 이용해 구한 k는 11 이고 test MSE는 0.01234136 이다.

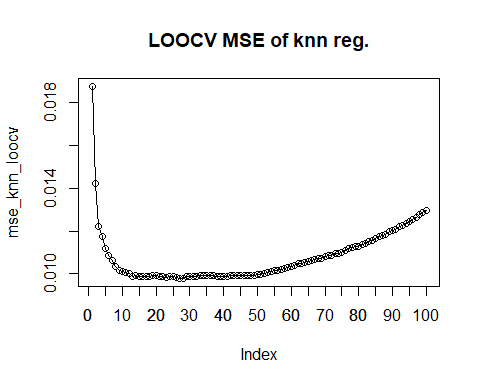
# fitted curve  
plot(trainset[, 'x'], trainset[, 'y'], xlab='x', ylab='y',  
 main='fitted curve of knn reg of k=11 with validation')  
points(x, predict(model\_knn, newdata=x\_linspace), col='red', type='l', lwd=3)



### (2) LOOCV

mse\_knn\_loocv = c()  
  
# model learning  
for (i in 1:100) {  
 mse\_loocv = 0  
   
 for (j in 1:m) {  
 temp\_train = trainset[-j, ]  
 temp\_val = trainset[j, ]  
 model\_knn = knnreg(y ~ x, k=i, data=temp\_train)  
 predict\_value = predict(model\_knn, newdata=temp\_val)  
 mse = (temp\_val[, 'y'] - predict\_value)^2  
   
 mse\_loocv = mse\_loocv + mse  
 }  
 mse\_knn\_loocv[i] = mse\_loocv / m  
}

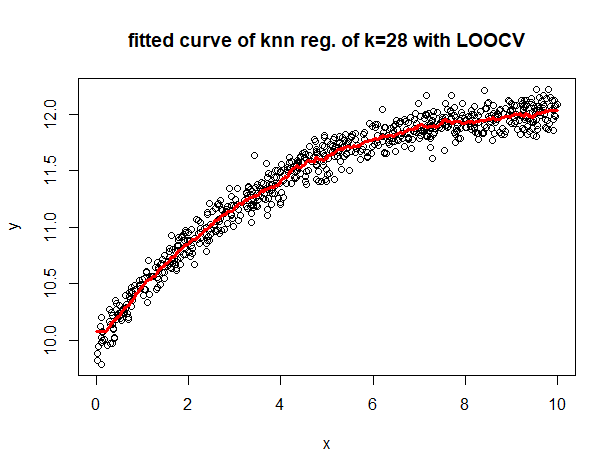
# k가 감소하다가 50을 지나면서부터 증가하는 것을 확인할 수 있다.  
plot(mse\_knn\_loocv, type='o', xlim=c(1, 100), main='LOOCV MSE of knn reg.')  
axis(side=1, at=seq(0, 100, 5))



# calculate test mse  
k = which.min(mse\_knn\_loocv)  
model\_knn = knnreg(y ~ x, k=k, data=trainset)  
predict\_value = predict(model\_knn, newdata=testset)  
test\_mse\_knn\_loocv = mean((testset[, 'y'] - predict\_value)^2)  
cat('validation method를 이용해 구한 k는',  
 k, '이고 test MSE는', test\_mse\_knn\_loocv, '이다.')

## validation method를 이용해 구한 k는 28 이고 test MSE는 0.01171555 이다.

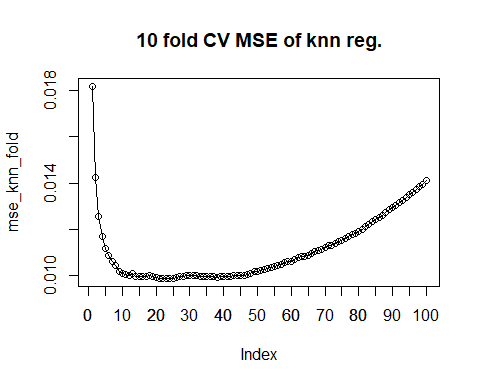
# fitted curve  
plot(trainset[, 'x'], trainset[, 'y'], xlab='x', ylab='y',  
 main='fitted curve of knn reg of k=28 with LOOCV')  
points(x, predict(model\_knn, newdata=x\_linspace), col='red', type='l', lwd=3)



### (3) 10 fold cv

set.seed(student)  
fold = 10  
fold\_index = sample(1:fold, m, replace=TRUE)  
  
mse\_knn\_fold = c()  
  
# model learning  
for (i in 1:100) {  
 mse\_fold = 0  
   
 for (j in 1:fold) {  
 temp\_train = trainset[fold\_index!=j, ]  
 temp\_val = trainset[fold\_index==j, ]  
 model\_knn = knnreg(y ~ x, k=i, data=temp\_train)  
 predict\_value = predict(model\_knn, newdata=temp\_val)  
 mse = mean((temp\_val[, 'y'] - predict\_value)^2)  
   
 mse\_fold = mse\_fold + mse  
 }  
 mse\_knn\_fold[i] = mse\_fold / fold  
}

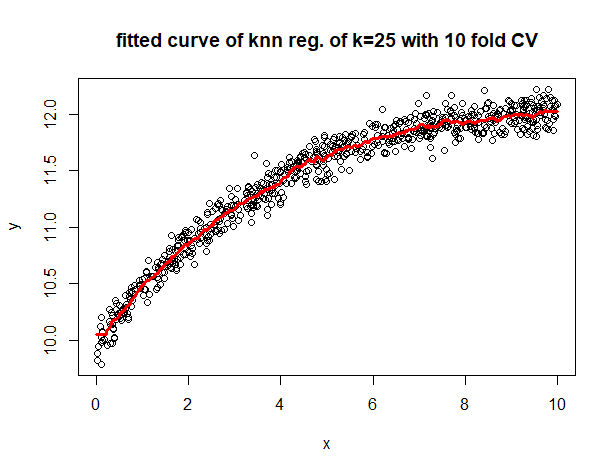
# k가 감소하다가 50을 지나면서부터 증가하는 것을 확인할 수 있다.  
plot(mse\_knn\_fold, type='o', xlim=c(1, 100), main='10 fold CV MSE of knn reg.')  
axis(side=1, at=seq(0, 100, 5))



# calculate test mse  
k = which.min(mse\_knn\_fold)  
model\_knn = knnreg(y ~ x, k=k, data=trainset)  
predict\_value = predict(model\_knn, newdata=testset)  
test\_mse\_knn\_10foldcv = mean((testset[, 'y'] - predict\_value)^2)  
cat('validation method를 이용해 구한 k는',  
 k, '이고 test MSE는', test\_mse\_knn\_10foldcv, '이다.')

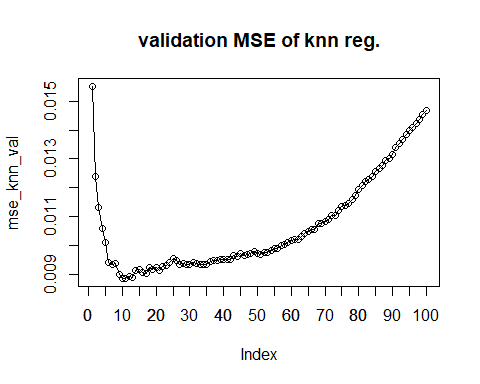
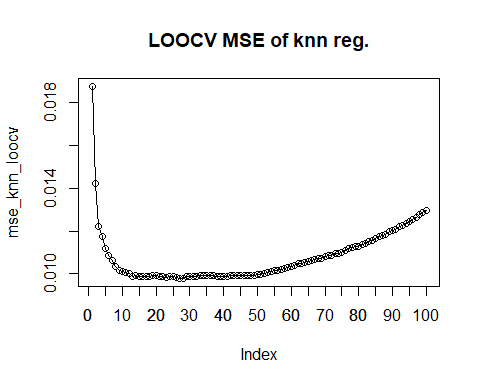
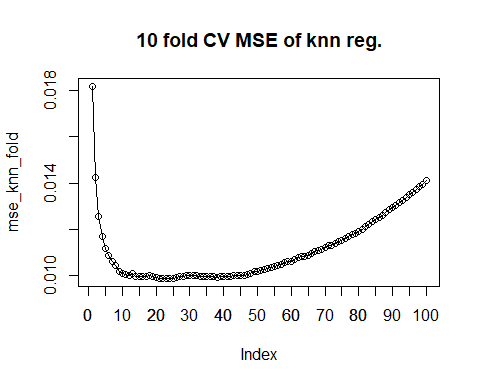
## validation method를 이용해 구한 k는 25 이고 test MSE는 0.01172869 이다.

# fitted curve  
plot(trainset[, 'x'], trainset[, 'y'], xlab='x', ylab='y',  
 main='fitted curve of knn reg of k=25 with 10 fold CV')  
points(x, predict(model\_knn, newdata=x\_linspace), col='red', type='l', lwd=3)



### (4) Conclusion

#### English version



I made KNN regression model using 3 validation methods(validation, LOOCV, 10 fold CV). In plot of learning curve (xlab is k of KNN, ylab is validation MSE), validation MSE decreases rapidly as k increases from 1 to 10. Difference between 3 plots shows that increasing speed of validation MSE depends on how to make validation set when k exceeds appropriate range (10 to 50). In case of making only one validation, validation MSE increases rapidly as k increases above 50. This means making only one has instability that results may vary depending on how the cases are selected in validation set. LOOCV is most stable method because validation MSE of LOOCV increases much slowly as k increases up to 50. But in this method, The model is trained sample size times. So too much calculation is required. It is disadvantage that we need a lot of time to find the optimal hyperparameter if our computer environment is limited.

Fold CV is advanced form of LOOCV focused on decreasing calculation and keeping on stability. When k is up to 50, validation MSE increases more rapidly than that of LOOCV and it is more stable than that of one validation set MSE in plot of 10 fold CV. In addition, fold CV does not require much calculation. It trains just only number of fold rather than LOOCV trains number of sample size. In this data, outputs of 2 methods are similar hyperparameter k, 25 in fold CV and 28 in LOOCV. It means fold CV has enough performance to get the optimal hyperparameter compared to LOOCV.

We can check that fitted curve of KNN Regression is more wiggly than that of polynomial regression. This is main feature of non-parametric model. Even though curve of KNN regression is wiggly, overall trend of curves of KNN and polynomial regression is almost same because power of data is strong. KNN regression does not assume relationship of variables. So, it is difficult to interpret relationship although performance of model is good enough. If we need interpretation in this data, I recommend polynomial regression which is a parametric model rather than KNN regression although test MSE of KNN and polynomial is similar.

#### 한국어 버전

KNN regression을 3가지 방법(validation, LOOCV, 10 fold CV)으로 학습하였다. val MSE plot을 보면 k가 1에서 10으로 변할 때val MSE가 급격하게 감소하는 것을 확인할 수 있다. 차이점은 k가 40~50보다 커질 때 val MSE가 증가하는 속도가 validation set을 어떻게 만드냐에 따라 다른 것을 확인할 수 있다. 하나의 validation set만 정의한 경우에는 k가 50이상으로 증가할 때 val MSE가 급격하게 증가하는 모습을 보인다. 이는 어떤 case가 validation set에 포함되느냐에 따라 결과가 달라질 수 있는 불안정성을 의미한다. k가 50 이상으로 증가할 때 LOOCV의 val MSE가 가장 천천히 증가하는데 이는 LOOCV가 가장 안정된 방법임을 의미한다. 하지만 데이터의 sample size만큼 모델 학습을 하니까 엄청난 계산량을 필요로 한다. 컴퓨터 환경이 빠르지 않다면 최적 hyperparameter를 구하기 위해 많은 시간이 소요된다는 단점이 있다.

안정성을 어느정도 확보하면서 LOOCV보다 계산량을 감소시킨 방법이 fold CV 이다. 10 fold CV의 val MSE를 보면 k가 50이상 증가할 때 LOOCV보다 증가하는 속도가 빠르다. 대신 validation MSE처럼 val MSE 그래프가 불안정한 모습은 보이지 않는다. 또한 LOOCV처럼 sample size만큼 학습하지 않고 fold 개수만큼만 학습하므로 과도한 계산량을 요구하지도 않는다. 이 데이터의 경우에도 KNN reg의 k가 28, 25로 비슷한 것으로 보아 최적 hyperparameter를 구하는데 있어 fold CV의 성능이 부족하지 않은 것을 확인할 수 있다.

KNN regression의 fitted curve가 polynomial regression의 curve보다 구불구불한 것을 확인할 수 있는데 이는 non-parametric model의 특징이라고 할 수 있다. 구불구불하긴 해도 데이터의 설명력이 좋은 편이라 curve의 전체적인 추세는 비슷한 것도 확인할 수 있다. KNN regression의 경우 변수 간의 관계식을 가정하고 만드는 모델이 아니다보니 성능이 뒷받침되더라도 변수 간의 관계를 해석하기가 힘들다. 만약 이 데이터에서 변수 간 해석을 필요로 한다면 test MSE 성능이 비슷한 polynomial regression과 KNN regression 중 parametric model인 polynomial regression을 사용할 것을 권장한다.